

## （六）投标人同类项目业绩情况

### 1、合同业绩清单

序号	项目名称	合作单位	合同金额(元)	签订日期	备注
1.	真核有参转录组测序分析	西湖大学	46000	20250821	

## 真核有参转录组测序分析 技术服务合同

合同编号：\_\_CQT2025082109G

甲 方：\_\_\_\_\_  
联系 人：\_\_\_\_\_  
地 址：\_\_\_\_\_  
电 话：\_\_\_\_\_  
E m a i l：\_\_\_\_\_  
西湖大学  
夏添  
浙江区杭州市西湖区墩余路 600 号西湖大学云谷校区  
18683781626  
xiatian@westlake.edu.cn

乙 方：\_\_\_\_\_  
联系 人：\_\_\_\_\_  
地 址：\_\_\_\_\_  
电 话：\_\_\_\_\_  
E - m a i l：\_\_\_\_\_  
广州承启生物科技有限公司  
戚璐燕  
广州市黄埔区开源大道 188 号一栋 1301、1401  
18676730088  
ly.qi@chi-biomedicine.com

签订时间：\_\_\_\_\_  
2025 年 8 月 21 日

有效期限：\_\_\_\_\_  
2025 年 8 月 21 日至 2026 年 8 月 21 日

本合同甲方委托乙方研究开发“真核有参转录组测序分析”项目，双方同意按下列条款，由乙方为甲方提供下述产品和服务。

#### 一、本合同研究服务内容要求如下：

1.1 甲方向乙方提供 200 个样品，并提供样品的相关详细资料信息。

物种：人；数据量要求：6 Gb/样本（承诺不低于该数据量的 95%）。

1.2 乙方对甲方提供的实验样品进行如下检测：

- (1) 样品 RNA 抽提；
- (2) 样品 RNA 质检；
- (3) 转录组文库构建（采用 Poly A 富集 mRNA）；
- (4) 上机测序；
- (5) 生物信息学分析（详见附件）

#### 备注：

1. 样本提取质检说明：RNA 提取质检费用为 60 元/样本/次，仅质检费用为 50 元/样本/次。若因甲方样品达不到乙方要求，建库不合格而导致项目终止，甲方需按照上述价格，根据实际情况向乙方支付相关提取费用和建库费用。

#### 二、合同金额及支付方式：

##### 2.1 合同总金额

合同总金额共计为人民币 46000 元（大写：人民币 肆万陆仟 圆整）。费用见下表：

序号	服务内容	单价	数量	小计/元
1	真核有参转录组测序分析			46000
项目总金额/元：人民币 <u>肆万陆仟</u> 圆整				46000

##### 2.2 付款方式

(1) 分期付款 技术服务费由甲方分期支付给乙方，具体支付方式如下：在合同生效后 10 个工作日内，甲方需向乙方支付合同总金额的 70 %即人民币 32200 元，用于启动项目。乙方在收到项目首付款和样品经乙方检测合格后，项目正式启动。乙方完成全部实验和信息分析工作后，向甲方提供结题报告后 5 个工作日内，甲方向乙方支付余款人民币 13800 元，确认收到款项后 5 个工作日内乙方向甲方提交全部数据和分析报告。

(2) 乙方指定银行账户信息如下:

户 名: 广州承启生物科技有限公司

开户行: 中国工商银行股份有限公司广州香雪牌坊支行

账 号: 3602 2266 0900 0032 587

### 三、合同执行时间安排

- (1) 乙方在收到甲方样品后于 5 个工作日内向甲方提供样品质检报告。当样品数量较多时, 提供样品质检报告时间将有所延长。对甲方提供的样品的质量判定, 一切以乙方的质检结果为准。
- (2) 若甲方所有样品一次质检合格, 乙方将在样品质检合格, 以及付款到位, 收到甲方回复确认的 30 个工作日内完成全部测序实验反应和数据分析工作。如甲方需额外进行高级定制化信息分析, 需额外增加执行周期。
- (3) 若在实验、测序和信息分析服务过程中遇到技术障碍, 乙方应与甲方及时沟通, 双方沟通时间应从 30 个工作日内中扣除。
- (4) 乙方将合同中约定的内容提供一次分析, 当甲方存在分批送样确认实验时, 乙方将等甲方所有的样品实验完毕后才开始分析。分析执行时间将根据最后一次样品实验确认的时间开始计算。
- (5) 乙方在项目尾款到位后 5 个工作日内向甲方提供项目所有数据和分析结果。

备注:

如果样本分多批次送样, 单次送样 $\leq 30$  例, 周期为 25 个工作日, 每增加 20 例, 周期增加 5 个工作日。

### 四、数据交付

乙方向甲方提交项目结题报告, 说明项目完成情况。信息采集过程中产生的序列文件\*.fq (或\*.fa) 和相关生物信息分析结果文件交付方式如下: 如果数据量小于 50G, 将使用百度网盘/阿里云链接供甲方下载; 如果数据量大于 50G, 将使用移动硬盘交付, 移动硬盘由甲方提供; 若需乙方采购移动硬盘, 则甲方需支付移动硬盘费用, 移动硬盘费用如下:

存储器类型	存储量	售价(RMB)
硬盘	1T	¥600
硬盘	2T	¥800
硬盘	4T	¥1000

### 五、数据储存

在测序过程中, 将产生大量的数据, 主要包括序列文件\*.fq 和相关生物信息分析结果文件。所有上述序列文件和相关分析结果文件将在结果交付后免费保存 3 个月, 3 个月后乙方将删除文件。如若甲方在届满期前书面提出继续保存数据, 则需与乙方重新签订书面协议, 并根据实际存储数据量与存储时间向乙方

支付费用。

数据存储收费标准：

数据量	收费标准	备注
D < 100G	100 元 + 50 元 * M	D 表示数据量, M 表示月数, Q 表示数据量 Tb 数, 不满 一个月按 1 个月计。
100G ≤ D < 500G	150 元 + 200 元 * M	
500G ≤ D < 1Tb	200 元 + 300 元 * M	
1Tb ≤ D	200 元 + 350 元 * M * Q	

#### 六、样品准备、保存和运输

(1) 甲方向乙方提供足够的样品, 样品送样具体要求请参见乙方提供的《样本送样指南》。送样时请详细填写电子版样品信息单, 并将样品信息单打印与样品一同寄送。为保证样品的提取质量, 不耽误项目进展, 请务必保证提供的信息完整无误。若因样品信息单填写不完整或错误导致的提取或检测错误, 后果需由甲方承担。

(2) 乙方因质检而引起的甲方样品的合理动用, 不承担赔偿责任。

(3) 关于样本处理: 实验样本若有剩余 (DNA 或 RNA 或抽提后剩余组织等), 乙方免费负责保存 3 个月 (从结题报告交付之日计算)。甲方需在乙方交付结题报告后 3 个月内提出书面申请, 告知项目完成后的样本处理方式 (返样, 销毁)。若超过 3 个月, 甲方未向乙方反馈样本处理方式, 乙方将默认可以销毁项目剩余样本, 乙方对此不承担任何责任。

(4) 项目回全款后, 方可执行样本返样。若需返样, 甲方需额外支付返样费用, 返样费用标准如下:

广东省内: 400 元/次。

广东省外: 500 元/次。

注: 如需返样请提前两周告知, 不接受加急返样。文库等实验中间产物不在返样范围, 由乙方自行销毁。

#### 七、甲方责任:

- (1) 甲方需按时提供符合实验要求的样品。如因甲方样本因素或样品未能按时到位等原因导致的项目延误, 乙方不承担责任。
- (2) 甲方需按时提供合同中约定提交的技术资料。如因甲方未能及时提供技术资料而导致实验延误, 乙方不承担责任。
- (3) 甲方需确保所提供的样品无致病性。合同生效时默认甲方对样品的安全性做出承诺。若因样品具有致病性从而威胁到公共安全, 甲方需承担相应的一切责任。
- (4) 如因非乙方原因导致合同执行中止时, 甲方应按照乙方实际执行的工作量支付费用。

#### 八、乙方责任：

- (1) 乙方需保证合同在约定期限内完成。如因乙方过错导致项目延迟，乙方应及时与甲方沟通，说明情况并商定合同完成时间。
- (2) 乙方需保证提交的结果与合同约定一致。如因乙方提供的结果不符合合同约定，乙方应重新提供。
- (3) 若样品质检合格，实验意外失败（未达到乙方对实验结果的质控标准），乙方为甲方继续进行重复试验，不另计费用。

#### 九、保密条款：

(1) 甲乙双方对该项目原始资料、技术路线、实验报告、服务价格等有保密义务。未经甲方书面、来函或邮件同意，乙方不得将本项目相关的资料、样品、实验数据泄露给第三方；未经乙方书面、去函或邮件同意，甲方不得将本项目技术路线等涉及乙方机密的资料泄露给第三方。

(2) 保密期限：自合同生效日起1年。

#### 十、争议仲裁：

双方因签订或履行本合同而发生的争议，应协商、调解解决。协商、调解不成的，提交乙方住所地人民法院诉讼解决。

#### 十一、其他：

本合同一式肆份，经合同各甲乙双方法定代表人或委托代理人签字盖章后生效，甲乙双方各执贰份，具有同等法律效力。扫描件和纸质版具备相同的法律效应。

甲 方  
(盖章)：  
授权代表：  
日 期：



乙 方  
(盖章)：  
授权代表：  
日 期：





附件：

	分析内容	分析	备注
标准分析	1.对原始数据进行去除接头、污染序列及低质量 reads 的处理	√	
	2.数据产出统计及测序数据的成分和质量评估	√	
	3.与参考基因组比对 参考基因组数据库描述：_____ 数据库下载链接：_____	√	需客户提供参考基因组下载链接
	4.基因表达水平分析	√	
	5.样本间相关性分析	√	≥ 2 个样本
	6.主成分分析	√	≥ 4 个样本
	7.差异基因筛选及聚类分析（热图）	√	差异表达分析需满足样品数≥2。如样品有分组，需客户提供样品分组信息。
	8.差异表达基因 GO 功能富集分析	√	
	9.差异表达基因 KEGG Pathway 富集分析	√	
	10.GSEA 富集分析	√	
	11.PPI 蛋白质互作网络分析	√	
	12.可变剪切分析	√	需存在比较组
	13.融合基因分析	√	仅限人/小鼠肿瘤样本或 cancer 细胞系
	14.变异位点分析	√	
	15.TME 肿瘤浸润分析	√	限人/小鼠样本
	16.趋势分析	√	比较组数量需大于等于 3 个
	17.WGCNA 基因共表达网络	√	样本数需≥15 个