

(六) 投标人同类项目业绩情况

1、合同业绩清单

序号	项目名称	合作单位	合同金额(元)	签订日期	备注
1.	菲沙基因 DNBSEQ 平台测序服务协议	武汉菲沙基因信息有限公司	964000.00	2023.4.1	
2.	广州威溶特医药科技有限公司 12 个样本转录组测序	广州威溶特医药科技有限公司	7680.00	2023.9.15	
3.	浙江省血液中心 8 个人链特异性转录组信息采集	浙江省血液中心	5200.00	2023.10.13	
4.	济宁优迅医岛生物科技有限公司 6 个转录组信息采集及分析	济宁优迅医岛生物科技有限公司	5050.00	2023.1.31	

6.1.1 菲沙基因 DNBSEQ 平台测序服务协议



合同编号: F23A040001771

菲沙基因 DNBSEQ 平台测序服务协议

甲方: 武汉菲沙基因信息有限公司

乙方: 深圳华大基因科技服务有限公司

签订时间: 2023 年 4 月 1 日

签订地点: 武汉

协议期限: 2023 年 4 月 1 日至 2025 年 4 月 1 日



合同编号: F23A040001771

甲方: 武汉菲沙基因信息有限公司

住 所 地: 中国湖北省武汉市东湖高新技术开发区高新大道 66 6 号光

谷生物城 D3-1 栋三楼

法定代表人: 陈东生

项目联系人: 郭孟齐、方玉娇

通讯地址: 湖北省武汉市东湖高新技术开发区高新大道 66 6 号光谷生

物城 D3-1 栋三楼菲沙基因

电话: 18702788973 电子信箱: fs-project@frasergen.com

乙 方: 深圳华大基因科技服务有限公司

住 所 地: 广东省深圳市盐田区北山工业区综合楼科技园 201

法定代表人: 高强

项目联系人: 谢顺

通讯地址: 广东省深圳市盐田区洪安三街 21 号华大综合园 7 栋

电话: 13570480094 传真

电子信箱: xieshun@genomics.cn

签订地点: 武汉

签订时间: 2023 年 4 月 1 日

甲、乙双方根据《中华人民共和国合同法》及相关法律法规的规定,经过平等、友好协商,就《非沙基因 DNBseq 平台信息采集项目》达成如下框架协议:

一、原则与目的:

利用乙方的高通量测序设备 (DNBseq 仪器) 和专业的生物信息分析技术,为甲方提供信息采集方面的技术服务,实现互利互惠、共同发展。甲方在一年内完成合同中约定的建库测序量,若市场价格波动强烈或乙方技术升级,双方以补充协议的形式,拟定新的执行价格。

二、服务内容:

乙方完成甲方所提供样本的测序及信息分析服务,样本包括但不限于: DNA 和 RNA 和常规组织,具体的样本数、技术内容、技术方法和路线等相关内容以书面补充协议的方式约定。

甲方需如实填写,并提供相应审批备案材料:

2.1 样本类别说明条款:

甲方需如实填写,并提供相审批备案材料:

(一) 样本类型请选择: ☐ DNA 样品, ☐ RNA 样品, ☐ 组织样品 (☐ 提取, ☐ 不提取), 蛋白/代谢类样品, ☒ 自建库样品, ☐ 单细胞样品; 甲方需严格按照实际情况填写样品类型,寄送样品选择对应的样品信息单。

(二) 本合同项目下所提供的样本,属于我国人类遗传资源材料或信息 (人类遗传资源材料是指含有人体基因组、基因等遗传物质的器官、组织、细胞等遗传材料,人类遗传资源信息是指利用人类遗传资源材料产生的数据等信息资料。) ☐ 是 ☒ 否; 若是,请填写 (三)。

(三) 本合同下的样本为临床诊疗、采供血服务、查处违法犯罪、兴奋剂检测和殡葬等活动需要,采集、保藏器官、组织、细胞等人体物质及开展相关活动。 ☐ 是 ☒ 否

若否,请继续填写:

(1) 本项目下的样本属于我国重要遗传家系、特定地区人类遗传资源或者采集国务院科学技术行政部门规定种类、数量的人类遗传资源: ☐ 是 ☒ 否;

(2) 甲方研究项目涉及到外方单位参与研究: ☐ 是 ☒ 否;

(3) 本项目下的材料会转移到境外或信息将向外方单位提供或者开放使用: ☐ 是 ☒ 否;

(4) 本单位是外方单位: ☐ 是 ☒ 否;

以上选项任一项如为是,甲方须依照人类遗传资源相关法律法规向相关部门进行申报审批备案,并将相关文件随本合同一同提交乙方。如甲方未办理审批备案,乙方有权单方终止本合同。

甲方依照人类遗传资源相关法律法规向相关部门进行申报审批备案时,将乙方单位一同申请的,需经过乙方审批同意方可申报审批备案。

填写说明:

1 重要遗传家系是指患有遗传性疾病或具有遗传性特殊体质或生理特征的有血缘关系的群体,患病家系或具有遗传性特殊体质或生理特征成员五人以上,涉及三代。

2 特定地区人类遗传资源指在隔离或特殊环境下长期生活,并具有特殊体质特征或在生理特征方面有适应性性状发生的人群遗传资源。特定地区不以是否为少数民族聚居区为划分依据。

3 国务院科学技术行政部门规定的种类是指罕见病、具有显著性差异的特殊体质或生理特征的人群;规定数量是指累积 500 人以上。

4 外方单位是指外国组织及外国组织、个人设立或者实际控制的机构,港澳台组织及港澳台组织、个人设立或者实际控制的机构参照外方单位进行管理。

2.2 本合同研究开发项目的要求如下

(1) 合同目标和技术内容: 乙方将完成对甲方提供的样品的信息采集,每个样本的目标采集数据量按照甲方邮件确认为准,并将所得数据进行数据质控,承诺同一批次总数据量达标的情况下,每个样本的数据产出不低于目标数据的 90%,交付数据 Q30≥80%。

(2) 技术方法和路线: 乙方对甲方提供的待测样品进行检测,样品检测合格后采取以下技术路线对待测样品进行信息采集: 待测样品文库制备——上机信息采集——数据质控。

甲方工作内容:

1) 提供样品的相关技术资料和信息,并登陆链接 <https://mybgi.bgi.com/tech/?locale=zh-CN#/main/s-home/>,选择合适的信息单模板详细填写样品信息,必须将系统生成的信息单打印出来随同样品一起寄送。如不便打印,请将系统生成的信息单批号记载于一张白纸上,并将有信息单批号的白纸与样品一起寄送。因样品信息单填写不完整、填写错误或不及时填写造成的检测错误、项目延期等后果,均由甲方承担。

2) 为乙方提供合格的样品,并提供相应分析所需的样品背景信息等相关技术资料。

3) 工作进度及时间安排:

在本合同签订后 5 个工作日内,甲方以书面或电子邮件形式提供相关技术资料,并提供样品。

乙方工作内容:

(1) 研究开发成果交付的形式及数量: 乙方向甲方提交项目结题报告,说明项目完成情况;信息采集过程中产生的序列文件*.fq (或*.fa) 和相关生物信息分析结果文件,如果数据量小于 200G, GEN 云平台交付;如数据量大于 200G,所有数据将会使用移动硬盘传输数据,移动硬盘由甲方提供。乙方确保提交符合合同约定(见第二条第 1 点)的数据量给甲方。考虑到生物学实验的不确定性,乙方将有可能在信息采集过程中产生过量数据。如果实际信息采集产生的数据量超出合同约定的数据量,乙方提交给甲方的所

有数据。为方便甲方信息采集数据的使用,乙方承诺在最终数据提供后,继续保留数据3个月,如果甲方在届满期前书面提出继续保存数据,则需签订书面补充协议并根据实际存储数据量与存储时间进行计费;

(2) 研究开发成果交付的时间及地点: 合同规定期限内, 地点为乙方所在地。双方确定, 按以下标准及方法对乙方完成的研究开发成果进行验收: 对于提供的信息采集数据量, 信息采集数据质量, 数据分析结果全部达到合同规定标准。

工作进度及时间安排(包括成果交付约定):

- (1) 乙方在收到甲方样品及相关纸质版和电子版信息单后开始样品检测;
- (2) 乙方在样品检测合格, 按约定工作日内完成全部信息采集及信息采集数据的处理工作并向甲方提供项目完成报告; 信息采集数据如需进行定制化信息分析, 需额外增加执行周期。
- (3) 乙方在相应的执行周期内向甲方提供项目所有 raw data。
- (4) 若在信息采集或数据处理中遇到技术障碍, 乙方应与甲方及时沟通, 双方沟通时间应从约定的工作日中扣除。

对于检测不合格的样品, 如需保存, 甲方应在收到样品检测报告后7天内与乙方联系。如甲方逾期未与乙方联系, 该不合格逾期样品会在样品检测报告发出后的7天后进行销毁。对于不符合乙方建库要求, 属于风险建库的样品, 甲方坚持要求进行建库、信息采集及信息分析工作, 所有费用由甲方承担, 乙方不对建库、信息采集和分析结果承担责任; 如失败后续甲方再次送样, 需重新支付相关费用。项目完成后剩余样品处理方式(甲方需勾选, 如无任何勾选, 甲方需在乙方提交数据后3个月内提出处理方式, 超过3个月后乙方销毁剩余样品, 乙方对此不承担任何责任), 以第(1)种方式处理样本。

- (1) 返样(返样具体内容与乙方项目管理邮件确认);
- (2) 销毁;
- (3) 保存__年; 人民币伍佰元整(¥500.00)/样本/年, 乙方严格按照公认样品保存方法执行, 但不能保证保存质量)

数据提交6个月内乙方向甲方提供免费的项目咨询服务, 超过此期限, 咨询服务将根据实际情况进行计费。

乙方提供一定的样本免费存储服务, 具体周期为: 待提取的组织1个月, 检测后待建库的核酸3个月, 总项目结题后项目所含原始样本3个月, 甲方需在相应周期内有效启动(以批次为单位, 批次内任一样本启动即为有效启动)样本, 或提出样本返还申请, 或提出样本续存申请, 否则即默认由乙方全权处理。样本续存费用为: 核酸30元/管/月, 组织50元/样/月, 乙方严格按照实验室管理规范进行样本存储管理, 但不承诺样本质量维持不变。

研究开发期限: 24个月, 自样品检测合格及根据合同要求需要甲方提供的其他材料交给乙方之日起计算, 如因甲方提供的样品及其他材料迟延, 研发期限顺延, 导致研发期限超出本合同有效期的, 合同有效期顺延。

三、服务金额及支付方式:

3.1 研究开发经费和报酬总额人民币玖拾陆万肆仟元整(¥964,000.00)。

1、建库测序产品:

产品类型	建库费 (元) / 样	文库 个数	测序费 (元) / G	总数据量 (G raw data)	总金额	备注
动植物全基因组重测序						
宏基因组						
转录组						
共计						
周期						

2、核酸提取产品

产品类型	单价	数量	总金额	备注
DNA 提取				
RNA 提取				
共计				
周期				

3.2 合同签订后,从甲方送样开始,每月 30 号乙方给甲方发送当月项目结算单,乙方在 2 个工作日内确认;甲方每 2 个月根据前 2 个月的结算单给乙方结算一次项目款,甲方应在收到发票和结算清单后的 5 个工作日内予以支付,未按时支付,乙方可终止后续合作项目。

3.3 如因乙方过错导致项目迟延时,乙方应及时与甲方沟通,协商延期方式,具体项目具体协商。

3.4 甲方未按照合同约定支付相应费用时,乙方可暂停释放数据直至终止后续合作。

3.5 乙方指定账户信息如下:

户 名: 深圳华大基因科技服务有限公司

开户行: 中国建设银行深圳市田背支行

账号: 44201514500059108230

四、商业秘密保护:

在协议有效期以及协议终止后的 2 年内,甲乙双方应对本协议及与本协议项下项目相关



合同编号: F23A040001771

的原始资料、技术路线、试验报告及与试验有关的资料结果及价格等保密。否则,一切责任由泄密方承担。

五、其他:

5.1 双方因签订或履行本协议而发生的争议,应协商、调解解决。协商、调解不成的,依法向乙方住所地人民法院起诉。

5.2 本协议自双方签字盖章之日起生效。

5.3 本协议的附件为本协议的组成部分,具有同等法律效力。

附件一《廉洁条款》

5.4 当市场价格有波动的情况出现,甲乙双方有权对协议价格另行补充协定。

5.5 本协议一式四份,甲方执两份,乙方执两份,未尽事宜可在补充协议中另行规定,补充协议与本协议具有同等法律效力,补充协议与本协议内容不一致的,以补充协议为准。

甲方(盖章):



法定代表人/委托代理人(签名):

2023年3月17日

乙方(盖章):



法定代表人/委托代理人(签名):

2023年3月17日

服务评价表

合同名称	菲沙基因 DNBSEQ 平台测序服务协议	合同编号	F23A040001771
委托方	武汉菲沙基因 信息有限公司	受托方	深圳华大基因科技 服务有限公司
合同价款	964,000 元	合同执行情况	达标
合同服务情况 简述	周期符合，数据质量合格，售后满意。 <div>日期：2023 年 8 月 15 日</div>		
委托方意见	满意 <div></div>		

6.1.2 广州威溶特医药科技有限公司 12 个样本转录组测序



合同编号: F23A040011679

技术服务合同

项目名称: 广州威溶特医药科技有限公司12个样本转录组测序

委托方 (甲方): 广州威溶特医药科技有限公司

受托方 (乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

签订时间: 2023年9月15日

签订地点: 广州

有效期限: 2023年9月15日至2025年9月14日

技术服务合同

委托方(甲方): 广州威洛特医药科技有限公司

住所地: 广州市黄埔区掬泉路3号H栋801-808房、901-908房

法定代表人: 朱文博

项目负责人: 李清

项目联系人: 李清

通讯地址: 广州市黄埔区掬泉路3号H栋801-808房、901-908房

电话: 19974991686

电子邮箱: liqing@virot.cn

受托方(乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

住所地: 深圳市盐田区盐田街道洪安三街21号华大综合园7栋1010

法定代表人: 高强

项目联系人: 刘金豆

通讯地址: 广州

联系电话: 18925031427

电子邮箱: liujindou@genomics.cn

本合同甲方委托乙方研究开发“广州威洛特医药科技有限公司12个样本转录组测序”项目。双方经过平等协商,在真实、充分地表达各自意愿的基础上,根据现行有效的法律法规的规定,达成如下合同,并由双方共同恪守。

1 定义

1.1 除非另有约定,本合同使用的下列术语应具有如下定义的含义:

1.1.1 “合同”或“本合同”:指本合同正文和其附件,共同构成合同整体并相互补充;

1.1.2 “交付成果”:指乙方根据本合同规定交付的服务成果,包括信息收集数据或分析结果等;

1.1.3 “技术障碍”:指在乙方现有条件下无法克服的技术问题,包括但不限于因合同约定的技术方法、技术路线、履行合同所使用的设备、仪器、软件等本身的缺陷或局限性;生物特性、生物个体差异性等因素导致的无法克服的技术问题;

1.2 标题仅为方便参考而设,不影响本合同的解释和意义。

2 本合同研究开发项目的要求如下:

2.1 产品技术路线:

2.1.1 (1) 合同目标和技术内容:完成 12 个小鼠 total RNA 样品转录组 RNA 信息采集,每个样本的目标采集数据量为 6G 的 clean data。在总数据量达标的前提下,承诺单个样本采集数据量不低于目标数据量的 95%,并完成相应的信息分析。

(2) 技术方法和路线:乙方对甲方提供的 12 个 total RNA 样品进行检测,样品检测合格后采取以下技术路线对转录组进行信息采集:转录组信息采集样品制备——Illumina 上机信息采集——生物信息学分析。

2.1.2 (1) 合同目标和技术内容:

乙方对甲方提供的 12 个小鼠的组织或细胞样品进行提取并检测,提供检测报告单。对于提取失败的样品,除尸体、排泄、血清血浆、微量等特殊样品,以及扩增子产品外,乙方可基于取样剩余组织免费向甲方再提供一次提取服务。

(2) 技术方法和路线:

乙方对甲方提供的组织或细胞样品进行提取,样品提取后出具检测报告单。

2.2 信息分析内容:

2.2.1 一、直接转录组 resequencing:

1、基本数据统计:

(1) 去除接头序列、低质量序列得到 reads 信息;

(2) 样品相关性;

(3) 表达量分布;

(4) RNA 分类;

2、参考基因组比对;

3、mRNA 鉴定;

4、mRNA 定量分析;

5、mRNA 差异表达分析(样本间、组间);

6、mRNA 表达/差异基因聚类;

7、mRNA 差异基因 GO 分类、富集;

8、mRNA 差异基因 KEGG 分类、富集;

9. mRNA 结构分析: 可变剪切分析;
10. mRNA 结构分析: 融合基因分析 (仅限人);
- 二、Dr. Tigm 多组学数据控制系统 (赠送使用 12 个月);
- 一) 数据库注释:
 1. 转录因子注释 (基于基因 ID, 在 AnimalTFDB/PlantTFDB 获得注释)
 2. GSEA 分析;
 3. 基于 Uniprot 数据库, 获得 Pfam, Eucytoma, COG, EggNOG 和 InterPro 数据库注释信息;
- 二) 互作网络分析:
 1. 靶基因分析:
 - ① miRNA-mRNA 靶向关系分析;
 - ② lncRNA-mRNA 靶向关系分析;
 2. ceRNA 互作网络分析;
 3. 蛋白互作网络分析;
 4. 共表达互作网络分析;
- 三) 特色分析:
 1. 自定义标签和自有数据上传;
 2. 外部数据库信息 (TCGA, ABCD44);
 3. 关键驱动基因网络图分析;
 4. 树状图分析;

3 各方在合同履行中的工作内容及时间安排

3.1 甲方:

3.1.1 工作内容:

甲方在提供样本的同时, 在 BGI 客户网站考虑选择建议并选择合适的信息单模板填写样品信息, 必须将系统生成的信息单打印出来随同样品一起寄送。

3.1.2 工作进度及时间安排: 本合同签订后 5 个工作日内, 甲方以书面和电子邮件两种形式提供上述技术资料。

3.2 乙方:

3.2.1 工作内容:

(1) 研究开发成果交付的形式及数量: 乙方向甲方提交项目结题报告, 说明项目完成情况; 信息采集过程中产生的序列文件 (*.fastq 或 *.fa) / 质谱下机原始数据 (靶向代谢组除外) 和相关生物信息分析结果文件, 如果数据量 < 200G, 默认采用 GENEAN (BGI Online 平台升级后更名 GENEAN) 交付; 如果数据量大于或等于 200G, 所有数据将采用移动硬盘传输数据, 甲方需根据选择的交付方式支付对应的交付费用 (除甲方自行提供移动硬盘进行数据交付的外)。乙方确保提交符合合同约定 (见第 3 条第 1 点) 的数据量给甲方, 考虑到生物学实验的不确定性, 乙方将有可能在信息采集过程中产生过量数据, 如果实际信息采集产生的数据量超出合同约定的数据量, 乙方提交给甲方的数据量最多不超过合同约定数据量的 20%, 乙方提交给甲方的信息分析结果将基于所有提交给甲方的数据。

(2) 研究开发成果交付的时间及地点: 合同规定期限内, 地点为乙方所在地, 双方确定, 按以下标准及方法对乙方完成的研究开发成果进行验收: 对于提供的信息采集数据量, 信息采集数据质量, 数据分析结果全部达到合同规定标准。

3.2.2 工作进度及时间安排 (包括成果交付约定)

- (1) 乙方在收到甲方样品及相关纸质版电子版信息单后开始样品检测;
- (2) 乙方在样品检测合格, 且检测到位后的按约定工作日内完成全部信息采集及信息采集数据的处理工作并向甲方提供项目完成报告。信息采集数据如需进行定制化信息分析, 需额外增加执行周期。自样品检测合格及根据合同要求调整甲方提供的其他材料交给乙方之日起计算。如因甲方提供的样品及其他材料延迟, 研发期限顺延, 导致研发期限超出本合同有效期的, 合同有效期顺延。
- (3) 乙方在项目尾款到位后5个工作日内向甲方提供项目所有clean data/测序下机原始数据(靶向二代测序除外)和分析结果、clean data/raw data经过去接头污染、去低质量序列后的数据;
- (4) 若在信息采集或数据处理中遇到技术障碍, 乙方应与甲方及时沟通, 双方沟通时间应从约定的工作日中扣除。

3.2.3 每个样品免费检测1次, 风险或不合格样本(风险或不合格样本是指《华大基因测序样品检测报告》中样品检测结果说明为风险或不合格样品)可免费再检测1次, 超出的部分需支付相关检测费用。对于不符合乙方建库要求, 属于风险建库的样品, 甲方坚持要求进行建库, 信息采集及信息分析工作, 所有费用由甲方承担, 乙方不承诺建库, 信息采集和分析结果承担责任。如失败后续甲方再次送样, 需重新支付相关费用。项目完成后剩余样品处理方式(甲方需勾选, 如无任何勾选, 甲方需在乙方提交数据后3个月内提出处理方式, 超过3个月后乙方销毁剩余样品, 乙方对此不承担任何责任), 以第2种方式处理样本。

(i) 送样

- a) 对于甲方在规定时间内要求退还的原始样品(如DNA、RNA、组织等), 由乙方进行信息采集过程中产生的中间产物(如胶块、文库等)除合同中有特别约定外, 将不予退还。乙方将根据甲方相关要求选择适当的运输方式及快递公司, 但相关费用(包括干冰、包装、快递、保险费用)由甲方承担, 特殊情况, 另行商议。
- b) 乙方以协助的方式处理样品退还事宜, 但乙方不承担样品寄送过程中所出现的任何风险(如毁损、灭失、延迟等)。
- c) 甲方如需乙方寄还相关样品, 应在规定期限内以书面的形式与乙方项目管理人员联系并提供送样相关信息。

(ii) 销毁:

(iii) 保存 年:

3.2.4 在总合同数据提交后的3个月内, 乙方为甲方提供免费的的项目咨询服务, 超过此期限, 咨询服务将根据实际情况进行计费。

4 合同总金额: 人民币柒仟陆佰捌拾元整: (¥7,680.00)

编号	产品名称	产品参数	样本数量	数量	单价	小计	执行周期
1	DNaseIseq核转 真核转量检测	产品包12 采样readcount (PE150, 95, Dr. Tom, cing ≥10)					
2	核酸提取服务	RNA-人/动物组织、细胞					

合同总金额: 7,680.00

5 支付方式:

5.1 甲方应按以下进度付款

甲方（盖章）：

法定代表人/委托代理人（签名）：

2023 年 9 月 15 日



乙方（盖章）：

法定代表人/委托代理人（签名）：

年 月 日



6.1.3 浙江省血液中心 8 个人链特异性转录组信息采集



合同编号: F23A040013083

技术服务合同

项目名称: 浙江省血液中心8个人链特异性转录组信息采集

委托方 (甲方): 浙江省血液中心

受托方 (乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

签订时间: 2023年10月13日

签订地点: 杭州

有效期限: 2023年10月13日至2025年10月12日

技术服务合同

委托方(甲方): 浙江省血液中心

住所地: 浙江省/杭州市/滨江区/建业路789号血液中心

法定代表人: -

项目负责人: 和艳敏

项目联系人: 和艳敏

通讯地址: 浙江省/杭州市/滨江区/建业路789号血液中心

电话: 13958108860

电子邮箱: heyamin1008@126.com

受托方(乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

住所地: 深圳市盐田区盐田街道洪安三街21号华大综合园7栋1010

法定代表人: 李宁

项目联系人: 李彬

通讯地址: 杭州

联系电话: 13606640231

电子邮箱: libin3@genomics.cn

(4) 本项目下的我国人类遗传资源信息涉及到对外提供, 或开放使用: 否。

2.4 如果在以上“1-4”中的任何一项为“是”, 则甲方应根据人类遗传资源相关法律法规向中国人类遗传资源管理办公室申请审批或备案, 并随本合同一同向乙方提交相关文件。如果甲方未获得审批备案, 乙方有权单方终止本合同。

在中报审批或备案时, 甲方将乙方单位作为合作单位向有关监管机构申请的, 在向监管机构申请前, 应征得乙方的审批同意。乙方审批文件包括但不限于人类遗传资源行政许可申请书等必要材料。

3 本合同研究开发项目的要求如下:

3.1 产品技术路线:

3.1.1 (1) 合同目标和技术内容: 完成8个人 total RNA 样品特异性转录组 RNA 信息采集, 每个样品的目标采集数据量为 60 的 clean data, 在总数据量达标的情况下, 承诺单个样本采集数据量不低于目标数据量的 90%, 并完成相应的信息分析。

(2) 技术方法和路线: 乙方对甲方提供的8个 total RNA 样品进行验测, 样品检测合格后采取以下技术路线对转录组进行信息采集: 转录组信息采集样品制备——Illumina 上机信息采集——生物信息学分析。

3.2 信息分析内容:

3.2.1 一、真核转录组 rna-seq analysis:

1、基本数据统计:

① 去除接头序列、低质量序列剔除 reads 信息;

② 样品相关性;

③ 表达量分布;

④ RNA 分类;

2、参考基因组比对;

3、mRNA 鉴定;

4、mRNA 定量分析;

5、mRNA 差异表达分析 (样本间、组间);

6、mRNA 表达/差异基因聚类;

7、mRNA 差异基因 GO 分类、富集;

8、mRNA 差异基因 KEGG 分类、富集;

9、mRNA 结构分析: 可变剪切分析;

10、mRNA 结构分析: 融合基因分析 (仅限人);

二、Dr. Tom 多组学数据挖掘系统 (赠送使用 12 个月);

一) 数据库注释:

1. 转录因子注释 (基于基因 ID, 在 AnimalTFDB/PlantTFDB 获得注释) 2. GSEA 分析;

3. 基于 Uniprot 数据库, 获得 Pfam、Protonm、COG、EggNOG 和 InterPro 数据库注释信息;

二) 互作网络分析:

1、靶基因分析;

① miRNA-mRNA 靶向关系分析;

② lncRNA-mRNA 靶向关系分析;

2、coRNA 互作网络分析;

3. 蛋白互作网络分析;
4. 共表达互作网络分析;
- 三) 特色分析:
1. 自定义标签和自有数据上传;
2. 外部数据库信息 (TCGA、ABRIS4) ;
3. 关键驱动基因网络图分析;
4. 时间序列分析;

4 各方在合同执行中的工作内容及时间安排

4.1 甲方:

4.1.1 工作内容:

甲方在提供样本的同时, 在BGI客户端参考选择建议并选择合适的信息单模板填写样品信息, 必须将系统生成的信息单打印出来随同样品一起寄送。

4.1.2 工作进度及时间安排: 本合同签订后5个工作日内, 甲方以书面和电子版两种形式提供上述技术资料。

4.2 乙方:

4.2.1 工作内容:

(1) 研究开发成果交付的形式及数量: 乙方向甲方提交项目结题报告, 说明项目完成情况, 信息采集过程中产生的序列文件*.fq (或*.fa) /质谱下机原始数据 (靶向代谢组除外) 和相关生物信息分析结果文件。如果数据量 < 200G, 默认采用GENEAN (BGI Online平台升级后更名GENEAN) 交付; 如果数据量大于或等于200G, 所有数据将采用移动硬盘传输数据, 甲方需根据选择的交付方式支付对应的交付费用 (除甲方自行提供移动硬盘进行数据交付的外)。乙方需保证交付符合合同约定 (见第3条第1点) 的数据量给甲方。考虑到生物学实验的不确定性, 乙方有可能在信息采集过程中产生过量数据, 如果实际信息采集产生的数据量超出合同约定的数据量, 乙方提交给甲方的数据量最多不超出合同约定数据量的20%, 乙方提交给甲方的信息分析结果将基于所有提交给甲方的数据。

(2) 研究开发成果交付的时间及地点: 合同规定期限内, 地点为乙方所在地, 双方确定, 按以下标准及方法对乙方完成的研究开发成果进行验收: 对于提供的信息采集数据量, 信息采集数据质量, 数据分析结果全部达到合同规定标准。

4.2.2 工作进度及时间安排 (包括成果交付约定):

(1) 乙方在收到甲方样品及相关纸质版和电子版信息单后开始样品检测;

(2) 乙方在样品检测合格, 资料款到位后的按约定工作日内完成全部信息采集及信息采集数据的处理工作并向甲方提供项目完成报告; 信息采集数据如需进行定制化信息分析, 需额外增加执行周期。自样品检测合格及能履行合同要求需要甲方提供的其他材料交给乙方之日起计算, 如因甲方提供的样品及其他材料延误, 研发期限顺延, 导致研发期限超出本合同有效期的, 合同有效期顺延。

(3) 乙方在项目尾款到位后5个工作日内向甲方提供项目所有clean data/质谱下机原始数据 (靶向代谢组除外) 和分析结果。clean data指raw data经过去接头污染、去低质量序列后的数据;

(4) 若在信息采集或数据处理中遇到技术障碍, 乙方应与甲方及时沟通, 双方沟通时间应从约定的工作日中扣除。

4.2.3 每个样品免费检测1次, 风险或不合格样本 (风险或不合格样本是指《华大基因测序样品

检测报告》中样品检测结果说明为风险或不合符样品) 可免费再检测1次, 超出的部分需支付相关检测费用。对于不符合乙方建库要求, 属于风险建库的样品, 甲方坚持要求进行建库, 信息采集及信息分析工作, 所有费用由甲方承担, 乙方不对建库、信息采集和分析结果承担责任。如失败后乙方再次送样, 需重新支付相关费用。项目完成后剩余样品处理方式(甲方需勾选, 如无任何勾选, 甲方需在乙方提交数据后3个月内提出处理方式, 超过3个月后乙方销毁剩余样品, 乙方对此不承担任何责任), 以第 1 种方式处理样本。

(1) 返样

a) 对于甲方在规定时间内要求返还的原始样品(如DNA、RNA、组织等), 由乙方进行信息采集过程中产生的中间产物(如胶块、文库等)除合同中有特别约定外, 将不予返还。乙方将根据甲方相关要求选择适当的运输方式及快递公司, 相关费用(包括干冰、包装、快递、保险费用)由甲方承担。特殊情况, 另行商议。

b) 乙方以协助的方式处理样品返还事宜, 但乙方不承担样品寄送过程中所出现的任何风险(如毁损、丢失、延迟等)。

c) 甲方如需乙方寄送相关样品, 应在规定期限内以书面的形式与乙方项目管理人员联系并提供返样相关信息。

(2) 销毁

(3) 保存 年:

4.2.4 在总合同数据提交后的3个月内, 乙方向甲方提供免费的项目咨询服务, 超过此期限, 咨询服务将根据实际情况进行计费。

5 合同总金额: 人民币伍仟贰佰元整 (¥5,200.00)

编号	产品名称	产品参数	样本数量	数量	单价	小计	执行周期
1	样品保存、返还样品返还(寄付)与采集						
2	INISEQ 真核转录组转录组建库(产品包)	特异性转录组F1 (PE150; 6G; Dr. Top)					
		esequencing					

合同总金额: 5,200.00

6 支付方式:

6.1 甲方应按以下进度付款

6.1.1 在合同生效后10个工作日内, 甲方向乙方支付全款人民币伍仟贰佰元整: (¥5,200.00)。

6.1.2 乙方完成信息分析工作后, 向甲方提供结题报告, 确认收到所有款项后, 乙方向甲方提交全部数据和分析报告。

6.2 所有款项甲方应采用转账方式支付。

开户单位: 深圳华大基因科技服务有限公司

开户银行: 中国建设银行深圳田湾支行

账号: 44201514500059108230

7 甲方责任

7.1 甲方提供的样品不符合乙方要求(包括但不限于样品制备不符合本合同要求, 达不到信息采集标准, 样品污染, 样品损坏等)导致合同终止时, 甲方按照乙方实际工作量以市场价格支付全部费用并赔偿乙方的其他损失。其中, 检测费用指取费用参考乙方核酸检测服务产品报价单。

甲方（盖章）：

法定代表人/委托代理人（签名）：

年 月 日

乙方（盖章）：

法定代表人/委托代理人（签名）：

年 月 日

6.1.4 济宁优迅医岛生物科技有限公司 6 个转录组信息采集及分析

华大基因
BGI

合同编号: F23A040000052

技术服务合同

项目名称: 济宁优迅医岛生物科技有限公司6个转录组信息采集及分析

委托方 (甲方): 济宁优迅医岛生物科技有限公司

受托方 (乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

签订时间: 2023年1月31日

签订地点: 深圳

有效期限: 2023年1月31日至2025年1月30日

技术服务合同

委托方(甲方): 济宁优迅医岛生物科技有限公司

住所地: 山东省济宁市任城区北湖荷花路京投总部广场B座906室

法定代表人: 张华帅

项目负责人: 张华帅

项目联系人: 刘 芬

通讯地址: 山东省济宁市任城区北湖荷花路京投总部广场B座906室

电话: 18853786030

电子邮箱: liufenfeitian@163.com

受托方(乙方): 深圳华大基因科技服务有限公司

住所地: 深圳市盐田区北山工业区综合楼科技创业园201

法定代表人: 高强

项目联系人: 王冰

通讯地址: 深圳市盐田区北山工业区综合楼科技创业园201

联系电话: 18926052831

电子邮箱: wangbing@genomics.cn

4. 外方单位是指外国组织及外国组织、个人设立或者实际控制的机构。港澳台组织及港澳台组织、个人设立或者实际控制的机构参照外方单位进行管理。

3 本合同研究开发项目的要求如下:

3.1 (1) 合同目标和技术内容: 完成 6 个 total RNA 样品转录组 RNA 信息采集, 每个样本的目标采集数据量为 6G 的 clean data, 在总数据量达标的情况下, 承诺单个样本采集数据量不低于目标数据量的 90%, 并完成相应的信息分析。

(2) 技术方法和路线: 乙方对甲方提供的 6 个 total RNA 样品进行检测, 样品检测合格后采取以下技术路线对转录组进行信息采集: 转录组信息采集样品制备——DNBSEQ 上机信息采集——生物信息学分析。

3.2 一、真核转录组 resequencing

1、基本数据统计

- ① 去除接头序列、低质量序列得到 reads 信息
- ② 样品相关性
- ③ 表达量分布
- ④ RNA 分类

2、参考基因组比对

3、mRNA 鉴定

4、mRNA 定量分析

5、mRNA 差异表达分析(样本间、组间)

6、mRNA 表达/差异基因聚类

7、mRNA 差异基因 GO 分类、富集

8、mRNA 差异基因 KEGG 分类、富集

9、mRNA 结构分析: 可变剪切分析

10、mRNA 结构分析: 融合基因分析(仅限人)

二、Dr. Tom 多组学数据挖掘系统(赠送使用 12 个月)

一) 数据库注释

1. 转录因子注释(AnimalTFDB/PlantTFDB)

2. GSEA 分析

3. Rfam、Pfam、Reactome、COG、EggNOG 和 InterPro 数据库注释

二) 互作网络分析

1、靶基因分析

① miRNA-mRNA 靶向关系分析

② lncRNA-mRNA 靶向关系分析

2、ceRNA 互作网络分析

3、蛋白互作网络分析

4、共表达互作网络分析

三) 特色分析

1、自定义标签和自有数据上传

2、外部数据库信息(TCGA、ARCHS4)

3、关键酶动力学网络图分析

4、时间序列分析

3.3 (1) 合同目标和技术内容:

乙方对甲方提供的6个的细胞或组织样品进行提取并检测, 提供检测报告单, 对于提取失败的样品, 除分泌体样品、微量样品外, 乙方可免费向甲方再提供一次提取服务。

(2) 技术方法和路线:

乙方对甲方提供的细胞或组织样品进行提取, 样品提取后出具检测报告单。

4 各方在合同执行中的工作内容及时间安排

4.1 甲方:

4.1.1 工作内容:

甲方在提供样品的同时, 在MYBGI客户端参考该样建议并选择合适的信息单模板填写样品信息, 必须将系统生成的信息单打印出来随同样品一起寄送。

4.1.2 工作进度及时间安排: 本合同签订后5个工作日内, 甲方以书面和电子邮件两种形式提供上述技术资料。

4.2 乙方:

4.2.1 工作内容:

(1) 研究开发成果交付的形式及数量: 乙方向甲方提交项目结题报告, 说明项目完成情况; 信息采集过程中产生的序列文件* (fq (读*) /rs (谱图下机原始数据 (靶向代谢组除外)) 和相关生物信息分析结果文件。如果数据量<200G, 默认采用GENEAN (BGI Online平台升级后更名GENEAN) 交付; 如果数据量大于或等于200G, 所有数据均采用移动硬盘传输数据。甲方需根据选择的交付方式支付对应的交付费用 (除甲方自行提供移动硬盘进行数据交付的外)。乙方确保提交符合合同约定 (见第3条第1点) 的数据量给甲方。考虑到生物学实验的不确定性, 乙方将有可能在信息采集过程中产生过量数据。如果实际信息采集产生的数据量超出合同约定的数据量, 乙方提交给甲方的数据量最多不超出合同约定的数据量的20%。乙方提交给甲方的信息分析结果将基于所有提交给甲方的数据。

(2) 研究开发成果交付的时间及地点: 合同规定期限内, 地点为乙方所在地, 双方确定, 按以下标准及方法对乙方完成的研究开发成果进行验收: 对于提供的信息采集数据量, 需信息采集数据质量, 数据分析结果全部达到合同规定标准。

4.2.2 工作进度及时间安排 (包括成果交付约定)

(1) 乙方在收到甲方样品及相关纸质版和电子版信息单后开始样品检测;

(2) 乙方在样品检测合格、首付款到位后的按约定工作日内完成全部信息采集及信息采集数据的处理工作并向甲方提供项目完成报告; 信息采集数据如需进行定制化信息分析, 需额外增加执行周期。自样品检测合格及根据合同要求需要甲方提供的其他材料交给乙方之日起计算。如因甲方提供的样品及其他材料延误, 研发期限顺延, 导致研发期限超出本合同有效期的, 合同有效期顺延。

(3) 乙方在项目尾款到位后5个工作日内向甲方提供项目所有clean data/质谱下机原始数据 (靶向代谢组除外) 和分析结果, clean data即raw data经过去接头行染、去低质量序列后的数据;

(4) 若在信息采集或数据处理中遇到技术障碍, 乙方应与甲方及时沟通, 双方沟通时间

应从约定的工作日中扣除。

4.2.3 每个样品免费检测1次, 风险或不合格样本(风险或不合格样本是指《华大基因测序样品检测报告》中样品检测结果说明为风险或不合格样品)可免费再检测1次, 超出的部分需支付相关检测费用。对于不符合乙方建库要求, 属于风险建库的样品, 甲方坚持要求建库、信息收集及信息分析工作, 所有费用由甲方承担, 乙方不对建库、信息收集和分析结果承担责任; 如失败后按甲方再次送样, 需重新支付相关费用。项目完成后剩余样品处理方式(甲方需勾选, 如无任何勾选, 甲方需在乙方提交数据后3个月内提出处理方式, 超过3个月后乙方销毁剩余样品, 乙方对此不承担任何责任), 以第1种方式处理样本。

(1) 送样

a) 对于甲方在规定时间内要求返还的原始样品(如DNA、RNA、组织等), 由乙方进行信息收集过程中产生的中间产物(如胶块、文库等)除合同中有特别约定外, 将不予返还, 乙方将根据甲方相关意见选择适当的运输方式及快递公司, 但相关费用(包括干冰、包装、快递、保险费用)由甲方承担, 特殊情况, 另行商议。

b) 乙方以协助的方式处理样品返还事宜, 但乙方不承担样品寄送过程中所出现的任何风险(如损坏、丢失、延迟等)。

c) 甲方如需乙方寄还相关样品, 应在规定时限内以书面的形式与乙方项目管理人员联系并提供送样相关信息。

(2) 销毁:

(3) 保存 年。

4.2.4 在总合同数据提交后的3个月内, 乙方向甲方提供免费的項目咨询服务, 超过此期限, 咨询服务将根据实际情况进行计费。

5 合同总金额: 人民币伍仟零伍拾元整: (¥5,050.00)

编号	产品名称	产品参数	样本数量	数量	单价	小计	执行周期
1	核酸提取服务	RNA-人/动物 组织、细胞					
2	样品保存, 送还样品送还(寄付)与采集						
3	DNBSEQ 真核转录组Ref	真核转录组Ref					
	核转录组resc	产品包10 (PE1)					
	quencing	50x DNBSEQ; 6G; Dr. Tom					
合同总金额:						5,050.00	

6 支付方式:

6.1 甲方应按以下进度付款

甲方（盖章）

法定代表人/委托代理人（签名）：

年

月

日



乙方（盖章）

法定代表人/委托代理人（签名）：

年

月

日



法人变更通知书

2023/10/10 09:56

变更通知书

变更（备案）通知书

22308818471

深圳华大基因科技服务有限公司：

我局已于二〇二三年十月十日对你企业申请的（法定代表人信息）变更予以核准；对你企业的（章程修正案、总经理、监事信息、其他董事信息、董事成员、章程）予以备案，具体核准变更（备案）事项如下：

备案前章程修正案：

备案后章程修正案：

备案前总经理： 高强（总经理）

备案后总经理： 李宁（总经理）

备案前监事信息： 孙英俊（监事）

备案后监事信息： 张金锋（监事）

备案前其他董事信息： 汪建（董事），徐均阳（董事），徐讯（董事），刘娜（董事），尹烨（董事）

备案后其他董事信息： 徐均阳（董事），刘娜（董事），尹烨（董事），汪建（董事）

备案前董事成员： 高强（董事长）

备案后董事成员： 李宁（董事长）

章程备案

变更前法定代表人信息： 高强

变更后法定代表人信息： 李宁

税务部门重要提示：如您在税务局使用防伪税控系统开具增值税发票，因变更名称、住所，需到原税务局主管税务机关办税服务厅办理防伪税控设备变更发行。



登记通知书

业务流程号:22511150580

深圳华大基因科技服务有限公司:

你单位提交的变更登记申请材料齐全,符合法定形式,我局予以登记。



深圳市市场监督管理局
商事登记簿查询 (商事主体登记及备案信息查询)

您好, 陈霞

深圳华大基因科技服务有限公司 2025年06月16日 的变更信息

变更前地址	深圳市盐田区盐田街道洪安三街21号华大综合园7栋1010
变更后地址	深圳市盐田区梅沙街道东海社区云华路9号华大时空中心8栋6北2-1
变更前负责人 (法定代表人、负责人、首席代表、合伙事务执行人等)	李宁
变更后负责人 (法定代表人、负责人、首席代表、合伙事务执行人等)	白苍洲
变更前章程或章程修正案通过日期	2024-07-29
变更后章程或章程修正案通过日期	2025-06-04
变更前成员	刘娜(董事), 汪建(董事), 徐均阳(董事)
变更后成员	白苍洲(董事), 石明明(董事)

深圳市市场监督管理局商事主体登记及备案信息查询单

基本信息 许可经营信息 股东信息 成员信息 变更信息 股权质押信息 法院冻结信息 经营异常信息 严重违法失信信息

深圳华大基因科技服务有限公司的基本信息

统一社会信用代码：	914403005956834368
注册号：	440301106181315
商事主体名称：	深圳华大基因科技服务有限公司
住所：	深圳市盐田区梅沙街道滨海社区云华路9号华大时空中心B栋6北2-1
法定代表人：	白茗洲
认缴注册资本（万元）：	1222.2221
经济性质：	有限责任公司
成立日期：	2012-04-25
营业期限：	自2012-04-25起至2043-03-26止
核准日期：	2025-06-16
年报情况：	2013年报已公示、2014年报已公示、2015年报已公示、2016年报已公示、2017年报已公示、2018年报已公示、2019年报已公示、2020年报已公示、2021年报已公示、2022年报已公示、2023年报已公示、2024年报已公示
主体状态：	开业（存续）
分支机构：	
备注：	